



Bv5584201G

INFORME FINAL RESULTADOS GENOTIPIFICACION

FECHA DE INGRESO: 2022-03-18	DIRIGIDO A: ASOCEBU
FECHA DEL DICTAMEN: 2022-04-25	DIRECCION: TRV 21 NRO 95 - 64 TELEFONO: 6105486
FECHA DE TOMA DE LA MUESTRA: 2022-01-26	RESPONSABLE TOMA DE MUESTRA: ROMULO ABRIL DAZA
PROCESAMIENTO EN EL LABORATORIO: 2022-03-19/2022-04-25	LUGAR TOMA DE MUESTRA: SAN JUAN DE BEDOUTH

IDENTIFICACION			
EJEMPLAR NOMBRE: SJ BEDOUTH PATRIMONIO VENDAVAL T.E	REGISTRO: MBR1204292	ID: 950/98	SEXO: MACHO
PROPIETARIO: HACIENDA SAN JUAN DE BEDOUTH	Nro MUESTRA ASOCIACION: 43565		

Las muestras y datos de identificación de los ejemplares fueron suministrados por el(los) ASOCEBU. Biotecgen S.A asume la identidad y cadena de custodia de las muestras a partir de la recepción de estas en su laboratorio.

RESULTADOS		
MARCADOR	ALELO 1	ALELO 2
TGLA227	77	77
BM2113	141	141
TGLA53	160	160
ETH10	209	213
SPS115	246	246
SPS113	135	137
TGLA122	145	153
INRA23	214	214
BM1818	266	266
ETH3	115	117
ETH225	180	160
BM1824	180	180
MGTG4B	145	147
CSSM68	181	195
ILST5006	296	296
RM067	90	92

Atentamente,



Liza Maria Romero
Profesional de Laboratorio



Marcela Rojas Ariza
Profesional de Laboratorio

RESULTADOS

1. IDENTIFICACION Y CADENA DE CUSTODIA SE LLEVO A CABO LA IDENTIFICACION DE LOS EJEMPLARES A PARTIR DE SU REGISTRO DE GENEOLOGIA Y SE AÑADIÓ UN CODIGO DE LABORATORIO A CADA MUESTRA. ASIMISMO SE LLEVO A CABO UN MINUCIOSO REGISTRO, SEGUIMIENTO Y CONTROL DE CADA UNO DE LOS PROCEDIMIENTOS REALIZADOS SOBRE LAS MUESTRAS DESDE LA TOMA, INCLUYENDO TODOS LOS PROCESOS DE LABORATORIO, ANALISIS DE RESULTADOS Y EMISION DEL INFORME FINAL, GARANTIZANDO ASI LA CADENA DE CUSTODIA. EL SOFTWARE BIOSOFTGEN FUE EMPLEADO PARA EL REGISTRO DE LOS PROCEDIMIENTOS DE LABORATORIO Y DE LOS RESPONSABLES DE SU EJECUCION EN EL FORMATO DE CADENA DE CUSTODIA. ASI COMO PARA LA REALIZACION DEL INFORME FINAL DE RESULTADOS. 2. EXTRACCION DE ADN Y AMPLIFICACION DE LOS SISTEMAS GENETICOS LAS MUESTRAS DE HEKILULO PILOSO SE PROCESARON MEDIANTE UN PROTOCOLO DE EXTRACCION DE ADN CON HICRONUCLEO DE SODIO REPORTADO POR TRUJY ET AL. (2001) Y EVENTUALMENTE MEDIANTE ADAPTACION DE UN PROTOCOLO DE EXTRACCION CON FENOL CLOROFORMIO DESCRITO POR FERNANDEZ ET AL. (2006). EN EL CASO DE MUESTRAS DE SANGRE ESTAS FUERON PROCESADAS POR EL METODO DE SALTING OUT O SEGUIAN LAS INSTRUCCIONES DE LOS FABRICANTES DEL REACTIVO Y LAS TABLETAS FTA™ DE GIBCO BRL PRODUCTS. EN EL CASO DE MUESTRAS DE SEMEN EL ADN SE OBTUVO CON EL KIT COMERCIAL DNAasy DE MARCA QIAGEN O POR MODIFICACION DEL PROTOCOLO DE FENOL CLOROFORMIO. LOS MARCADORES MOLECULARES ANALIZADOS EN LA FRUERA Y QUE CORRESPONDEN A MICROSATELITOS O REPETICIONES CORTAS EN TANDEM (SHORT TANDEM REPEATS, STR) FUERON LOS SIGUIENTES: TGLA227, BM2113, TGLA53, ETH10, SPS115, TGLA122, TGLA122, INRA23, ETH3, ETH225, BM1824, SPS113, RM067, BM1818, CSSM68, MGTG4B, CSSM68, ILST5006 Y SE AMPLIFICARON A TRAVES DE LA REACCION EN CADENA DE LA POLIMERASA (PCR) EMPLEANDO EL KIT COMERCIAL "BOVINE GENOTYPES™" PANEL 3.11 DE PRINZYMES DIAGNOSTICS. 3. GENOTIPIFICACION Y ASIGNACION DE ALELOS LOS PRODUCTOS AMPLIFICADOS FUERON ANALIZADOS CON EL MARCADOR DE PESO MOLECULAR "GENESCAN 500 LIZ SIZE STANDARD" Y CON METODOS AUTOMATIZADOS DE DETECCION FLUORESCENTE EMPLEANDO EL ANALIZADOR GENETICO DE ELECTROFORESIS CAPILAR APPLIED BIOSYSTEMS (ABI) DE APPLIED BIOSYSTEMS. PARA LA ASIGNACION DEL TAMAÑO DE LOS ALELOS EN PARES DE BASES Y SU NOMBRAMIENTO SE EMPLEO EL SOFTWARE GENEMAPPER VERSION 3.2 DE APPLIED BIOSYSTEMS. 4. INTERPRETACION DE RESULTADOS Y EMISION DEL INFORME FINAL EN EL INFORME FINAL SE PRESENTAN DATOS DE IDENTIFICACION DE LOS ANIMALES, LOS PROPIETARIOS Y RESPONSABLES DE LA TOMA DE MUESTRAS, LOS CODIGOS ASIGNADOS, FECHAS DE RECEPCION DE MUESTRAS, PROCESAMIENTO EN EL LABORATORIO Y EMISION DEL RESULTADO. EL INFORME CONSTA DE UNA TABLA EN LA QUE SE REPORTAN LOS MARCADORES GENETICOS ANALIZADOS EN CADA MUESTRA Y LOS RESULTADOS OBTENIDOS POR CADA ALELO, DE TAL FORMA QUE EL INDIVIDUO ES HOMOCIGOTO PARA EL SISTEMA CUANDO TENGA EL MISMO NUMERO DE REPETICIONES CORTAS O STR EN SUS DOS ALELOS (LOS MISMOS NUMEROS) Y HETEROCIGOTO CUANDO EL NUMERO DE REPETICIONES CORTAS SEA DISTINTO EN CADA ALELO (NUMEROS DISTINTOS). LOS ESPACIOS EN BLANCO O LA AUSENCIA DE ALGUN MARCADOR SON PRESENTADOS CUANDO EL MARCADOR GENETICO NO PERMITIO LA DETECCION CLARA DE ALGUNOS DE LOS ALELOS DEL EJEMPLAR ANALIZADO. COMO MINIMO SE DEBERAN REPORTAR 14 MARCADORES MOLECULARES POR CADA MUESTRA. FINALMENTE LA VERACIDAD DEL INFORME ES RESPALDADA POR LA FIRMA DEL PROFESIONAL Y EL DIRECTOR DE LABORATORIO. LOS RESULTADOS NO PODRAN SER REPRODUCCIONES O MODIFICACIONES TOTAL NI PARCIALMENTE. 5. CONTROL DE CALIDAD DEL PROCEDIMIENTO Y LOS RESULTADOS PARA EFECTOS DE CONTROL DE CALIDAD SE UTILIZO UN CONTROL POSITIVO QUE CORRESPONDE A ADN BOVINO SUMINISTRADO POR EL KIT COMERCIAL "BOVINE GENOTYPES™" PANEL 3.11 DE PRINZYMES DIAGNOSTICS Y CONTROLES NEGATIVOS DE EXTRACCION Y PCR QUE NO INCLUIAN ADN. BIOTECGEN S.A. ES MIEMBRO DE LA SOCIEDAD INTERNACIONAL DE GENETICA ANIMAL (INTERNATIONAL SOCIETY OF ANIMAL GENETICS, ISAG) Y PARTICIPA EN LOS EJERCICIOS DE CALIDAD EXTERNOS ORGANIZADOS POR ESTA ENTIDAD. BIOTECGEN S.A. TIENE IMPLEMENTADO UN SISTEMA DE GESTION DE CALIDAD. 6. REFERENCIAS: TRUJY, G.S. MACHUGH, D.E., SABLEY, J.F., MAGEE, D.A., LOFTUS, R.T., DUNNINGHAM, P., CHAMBERLAIN, A.T., SYKES, B.C. & BRADLEY, D.G. 2001. NATURE, VOL. 410, ISSUE 6932, P.1068-1091. FERNANDEZ, M., MINOZ, A. & LORREDDOR, M. 2006. PARASITOL. LATINAM. VOL. 61, P.101-110.