



Bv7180801G

INFORME FINAL RESULTADOS GENOTIPIFICACION

FECHA DE INGRESO: 2024-02-02	DIRIGIDO A: ASOCEBU
FECHA DEL DICTAMEN: 2024-02-29	DIRECCION: CL 97 # 13 - 44 TELEFONO: 6105486
FECHA DE TOMA DE LA MUESTRA: 2023-11-19	RESPONSABLE TOMA DE MUESTRA: JAVIER ARDILA NARVAEZ
PROCESAMIENTO EN EL LABORATORIO: 2024-02-12/2024-02-29	LUGAR TOMA DE MUESTRA: CENFER

IDENTIFICACION

EJEMPLAR NOMBRE: SJ RETIRO NOAH T.E.	REGISTRO: MBR1321487	ID: 048/71	SEXO: MACHO
PROPIETARIO: HACIENDA SAN JUAN DE BEDOUTH	Nro MUESTRA ASOCIACION: 62138		

Las muestras y datos de identificación de los ejemplares fueron suministrados por el(la) ASOCEBU. Biotecgen S.A asume la identidad y cadena de custodia de las muestras a partir de la recepción de estas en su laboratorio.

RESULTADOS		
MARCADOR	ALELO 1	ALELO 2
BM2113	135	141
TGLA53	168	168
ETH10	211	213
SPS115	246	250
SPS113	135	141
RM067	90	94
TGLA126	117	125
TGLA122	137	149
INRA23	214	214
BM1818	268	268
ETH3	117	117
ETH225	148	148
BM1824	180	180
MGTG4B	145	149
CSSM66	195	195
ILSTS006	290	294

Atentamente,


LIZA ROMERO
COORDINADORA DE LABORATORIO


MARCELA ROJAS ARIZA
PROFESIONAL DE LABORATORIO

RESULTADOS

1. IDENTIFICACION Y CADENA DE CUSTODIA SE LLEVO A CABO LA IDENTIFICACION DE LOS EJEMPLARES A PARTIR DE SU REGISTRO DE GENEALOGIA Y SE ASIGNO UN CÓDIGO DE LABORATORIO A CADA MUESTRA. ASÍ MISMO, SE LLEVO A CABO UN MINUCIOSO REGISTRO, SEGUIMIENTO Y CONTROL DE CADA UNO DE LOS PROCEDIMIENTOS REALIZADOS SOBRE LAS MUESTRAS DESDE LA TOMA, INCLUYENDO TODOS LOS PROCESOS DE LABORATORIO, ANALISIS DE RESULTADOS Y EMISION DEL INFORME FINAL, GARANTIZANDO ASÍ LA CADENA DE CUSTODIA. EL SOFTWARE BIOSOFTGEN FUE EMPLEADO PARA EL REGISTRO DE LOS PROCEDIMIENTOS DE LABORATORIO Y DE LOS RESPONSABLES DE SU EJECUCIÓN EN EL FORMATO DE CADENA DE CUSTODIA, ASÍ COMO PARA LA REALIZACIÓN DEL INFORME FINAL DE RESULTADOS. 2. EXTRACCION DE ADN Y AMPLIFICACION DE LOS SISTEMAS GENETICOS LAS MUESTRAS DE FOLICULO PILOSO SE PROCESARON MEDIANTE UN PROTOCOLO DE EXTRACCION DE ADN CON HIDROXIDO DE SODIO REPORTADO POR TROY ET AL. (2001) Y EVENTUALMENTE MEDIANTE ADAPTACION DE UN PROTOCOLO DE EXTRACCION CON FENOL CLOROFORMO DESCRITO POR FERNANDEZ ET AL. (2006). EN EL CASO DE MUESTRAS DE SANGRE, ESTAS FUERON PROCESADAS POR EL MÉTODO DE SALTING OUT O SEGUN LAS INSTRUCCIONES DE LOS FABRICANTES DEL REACTIVO Y LAS TARJETAS FTA™ DE GIBCO BRL PRODUCTS. EN EL CASO DE MUESTRAS DE SEMEN, EL ADN SE OBTUVO CON EL KIT COMERCIAL DNeasy® DE MARCA QIAGEN O POR MODIFICACION DEL PROTOCOLO DE FENOL CLOROFORMO. LOS MARCADORES MOLECULARES ANALIZADOS EN LA PRUEBA Y QUE CORRESPONDEN A MICROSATÉLITES O REPETICIONES CORTAS EN TANDEM (SHORT TANDEM REPEATS, STR'S), FUERON LOS SIGUIENTES: TGLA227, BM2113, TGLA53, ETH10, SPS115, TGLA126, TGLA122, INRA23, ETH3, ETH225, BM1824, SPS113, RM067, BM1818, CSRM60, MGTG4B, CSSM66, ILSTS006 Y SE AMPLIFICARON A TRAVES DE LA REACCION EN CADENA DE LA POLIMERASA (PCR) EMPLEANDO EL KIT COMERCIAL 'BOVINE GENOTYPES™', PANEL 3.1' DE FINNZYMES DIAGNOSTICS 3. GENOTIPIFICACION Y ASIGNACION DE ALELOS LOS PRODUCTOS AMPLIFICADOS FUERON ANALIZADOS CON EL MARCADOR DE PESO MOLECULAR YGENESCAN 500 LIZ SIZE STANDARDI™ Y CON METODOS AUTOMATIZADOS DE DETECCION FLUORESCENTE EMPLEANDO EL ANALIZADOR GENETICO DE ELECTROFORESIS CAPILAR APPLIED BIOSYSTEMS 3500 DE APPLIED BIOSYSTEMS, PARA LA ASIGNACION DEL TAMAÑO DE LOS ALELOS EN PARES DE BASES Y SU NOMBRAMIENTO, SE EMPLEO EL SOFTWARE GENEMAPPER VERSION 3.2 DE APPLIED BIOSYSTEMS 4. INTERPRETACION DE RESULTADOS Y EMISION DEL INFORME FINAL EN EL INFORME FINAL SE PRESENTAN DATOS DE IDENTIFICACION DE LOS ANIMALES, LOS PROPIETARIOS Y RESPONSABLES DE LA TOMA DE MUESTRAS, LOS CÓDIGOS ASIGNADOS, FECHAS DE RECEPCION DE MUESTRAS, PROCESAMIENTO EN EL LABORATORIO Y EMISION DEL RESULTADO. EL INFORME CONSTA DE UNA TABLA EN LA QUE SE REPORTAN LOS MARCADORES GENETICOS ANALIZADOS EN CADA MUESTRA Y LOS RESULTADOS OBTENIDOS POR CADA ALELO, DE TAL FORMA QUE EL INDIVIDUO ES HOMOCIGOTO PARA EL SISTEMA CUANDO TENGA EL MISMO NÚMERO DE REPETICIONES CORTAS O STR EN SUS DOS ALELOS (LOS MISMOS NÚMEROS) Y HETEROCIGOTO CUANDO EL NÚMERO DE REPETICIONES CORTAS SEA DISTINTO EN CADA ALELO (NÚMEROS DISTINTOS). LOS ESPACIOS EN BLANCO O LA AUSENCIA DE ALGÚN MARCADOR SON PRESENTADOS CUANDO EL MARCADOR GENETICO NO PERMITIO LA DETECCION CLARA DE ALGUNO(S) DE LOS ALELOS DEL EJEMPLAR ANALIZADO. COMO MÍNIMO SE DEBERÁN REPORTAR 14 MARCADORES MOLECULARES POR CADA MUESTRA. FINALMENTE LA VERACIDAD DEL INFORME ES RESPALDADA POR LA FIRMA DEL PROFESIONAL Y EL DIRECTOR DE LABORATORIO. LOS RESULTADOS NO PODRÁN SER REPRODUCIDOS O MODIFICADOS TOTAL NI PARCIALMENTE. 5. CONTROL DE CALIDAD DEL PROCEDIMIENTO Y LOS RESULTADOS PARA EFECTOS DE CONTROL DE CALIDAD SE UTILIZO UN CONTROL POSITIVO QUE CORRESPONDE A ADN BOVINO SUMINISTRADO POR EL KIT COMERCIAL 'BOVINE GENOTYPES™', PANEL 3.1' DE FINNZYMES DIAGNOSTICS Y CONTROLES NEGATIVOS DE EXTRACCION Y PCR, QUE NO INCLUIAN ADN. BIOTECGEN S.A. ES MIEMBRO DE LA SOCIEDAD INTERNACIONAL DE GENÉTICA ANIMAL (INTERNATIONAL SOCIETY OF ANIMAL GENETICS, ISAG) Y PARTICIPA EN LOS EJERCICIOS DE CALIDAD EXTERNOS ORGANIZADOS POR ESTA ENTIDAD. BIOTECGEN S.A TIENE IMPLEMENTADO UN SISTEMA DE GESTIÓN DE CALIDAD. 6. REFERENCIAS TROY, CS, MACHUGH DE, BAILEY JF, MAGEE DA, LOFTUS RT, CUNNINGHAM P, CHAMBERLAIN AT, SYKES BC & BRADLEY DG 2001. NATURE, VOL. 410 ISSUE 6832, P1088-1091 FERNANDEZ, M MUÑOZ, A & CORREDOR, M. 2006. PARASITOL LATINOAM, VOL. 61, P101 - 110